# **Pranešimo pavadinimas[[1]](#footnote-1)**

Pranešėjas (institucija)

Kiti bendraautoriai (institucija)

Sekcija

Lorem ipsum dolor sit amet, consectetur adipiscing elit, sed do eiusmod tempor incididunt ut labore et dolore magna aliqua. Nunc sed id semper risus in hendrerit gravida. Ultrices neque ornare aenean euismod elementum nisi quis eleifend. Semper quis lectus nulla at volutpat diam. Volutpat blandit aliquam etiam erat velit scelerisque in dictum non. Vestibulum mattis ullamcorper velit sed ullamcorper morbi. Eros donec ac odio tempor. Id cursus metus aliquam eleifend mi. Rhoncus aenean vel elit scelerisque mauris. Felis imperdiet proin fermentum leo vel orci porta. Senectus et netus et malesuada fames ac turpis egestas sed. Lectus magna fringilla urna porttitor rhoncus dolor. Ornare suspendisse sed nisi lacus sed viverra tellus in. Augue neque gravida in fermentum et sollicitudin ac orci phasellus. Dictum varius duis at consectetur lorem donec massa sapien faucibus. Facilisis volutpat est velit egestas dui. Habitant morbi tristique senectus et netus et malesuada. Sed sed risus pretium quam vulputate dignissim suspendisse in est.

**Literatūra**

[1] Huynen, M. A. and Bork, P. 1998. Measuring genome evolution. *Proceedings of the National Academy of Sciences USA* 95:5849–5856.

[2] Caprara, A. 1997. Sorting by reversals is difficult. In: *Proceedings of the First Annual International Conference on Computational Molecular Biology (RECOMB 97), New York: ACM*. pp. 75-83.

[3] Reinelt, G. 1991. *The Traveling Salesman - Computational Solutions for TSP Applications*. Berlin: Springer Verlag.

1. Tyrimus finansavo Lietuvos mokslo taryba. Granto numeris LMT-10 [↑](#footnote-ref-1)